# Método de Seleção Hawk-Dove Roulette para Algoritmos Genéticos

CRISTIANO LEHRER, M.SC.<sup>1</sup>
PAULO SERGIO DA SILVA BORGES, DR.<sup>2</sup>

<sup>1</sup>UFSC – Universidade Federal Santa Catarina PGCC – Programa de Pós-Graduação em Ciência da Computação SHCGN 709, Bloco L, Casa 21 – CEP 70.750-712 Brasília (DF) lehrer@inf.ufsc.br

<sup>2</sup>UFSC – Universidade Federal de Santa Catarina PGCC – Programa de Pós-Graduação em Ciência da Computação Cx. Postal 476 – CEP 88.040-970 Florianópolis (SC) pssb@inf.ufsc.br

Resumo: Alguns conceitos pertencentes a Teoria dos Jogos Evolucionários são empregados para testar como eles podem aprimorar a atuação dos operadores utilizados em Algoritmos Genéticos (AG). O emprego de estratégias racionais pode fornecer uma eficiência adicional aos AG na busca de soluções satisfatórias para problemas difíceis. Neste caso, os operadores tradicionais dos AG, especialmente seleção, recombinação e mutação, não contariam somente com critérios aleatórios para realizar a exploração da superfície adaptativa. Esta idéia é implementada através da promoção de uma competição entre os cromossomos pela melhor adaptabilidade, que é considerada um recurso escasso e limitado. Para completar o método, o paradigma selecionado é o Jogo Hawk-Dove, conhecido como um importante modelo de comportamento estratégico em estudos ecológicos. Os participantes do jogo são os cromossomos, os quais exercem suas respectivas estratégias e se esforçam para melhorar sua adaptabilidade individual. Para testar o método o Problema do Caixeiro Viajante é utilizado. Uma série de simulações são realizadas e os resultados alcançados apresentados, especialmente uma comparação com os métodos usuais de operadores dos AG. Algumas evidências encontradas indicam vantagens no uso da metodologia pesquisada.

**Palavras Chaves:** Computação Evolucionária; Teoria dos Jogos; Algoritmos Genéticos; Jogo *Hawk-Dove*:

### 1 Introdução

A Biologia Evolucionária é uma fonte de inspiração para resolver problemas complexos, os quais requerem buscas em um vasto campo de soluções possíveis [Mitchell et al (1999)].

A própria natureza teve que realizar uma busca em um enorme conjunto de soluções possíveis, as seqüências genéticas, para desenvolver organismos aptos a viverem e a se reproduzirem em seus ambientes [Mitchell (1996)].

Os Algoritmos Genéticos (AG) são métodos baseados nos princípios da seleção natural e da sobrevivência dos mais apto, simulando o processo de evolução natural para desenvolver soluções para o mundo real [Beasley et al (1993)].

A estes princípios estão acrescentados os conceitos iniciados por Mendel, no que se refere à estrutura genética dos seres vivos.

A maioria das implementações desses algoritmos considera os indivíduos como agentes passivos, que nascem com sua adaptabilidade definida e imutável. Isso ocorre porque a adaptabilidade de um indivíduo é calculada com base apenas no seu material genético, e o genótipo de um indivíduo não é alterado durante a sua existência.

Na natureza, a adaptabilidade dos seres vivos não é influenciada apenas pelo seu material genético. Ela também é afetada pela interação entre os indivíduos, seja entre os da mesma espécie ou de espécies diferentes, que estão competindo para melhorar suas aptidões individuais.

A Teoria dos Jogos procura modelar, de maneira matematicamente formal, aspectos gerais de situações competitivas essencialmente estratégicas, como batalhas militares ou jogos de tabuleiro, dando ênfase especial ao processo de tomada de decisão dos adversários [Hiellier (1998)].

Dentre as várias classes de jogos estudadas pela Teoria dos Jogos se encontra a Teoria dos Jogos Evolucionários, que é uma maneira de se pensar sobre a evolução num nível fenotípico, quando a adaptabilidade de um particular fenótipo depende de sua freqüência na população [Smith (1993)].

A Teoria dos Jogos Evolucionários considera que os indivíduos são de certa forma pré-programados com algum comportamento, formalmente uma estratégia para um jogo, e que algum processo de seleção evolucionário operará na população distribuindo os comportamentos [Weibul (1996)].

## 2 Algoritmos Genéticos

Inspirados nos conceitos da genética e da Teoria da Seleção Natural de Charles Darwin, os Algoritmos Genéticos (AG) são um poderoso mecanismo de busca de soluções e uma das técnicas que compõem a Computação Evolucionária [Goldberg (1989)].

Propostos por John Holland entre os anos 1960 e 1970 na Universidade de Michigan, os AG são uma abstração da evolução biológica. A base teórica dos AG é apresentada no seu livro *Adaptation in Natural Artificial and Systems* [Holland (1975)].

O objetivo principal de Holland não era o desenvolvimento de algoritmos para resolver problemas específicos, mas um estudo formal do fenômeno da adaptação que acontece na natureza, e desenvolver um modo em que os mecanismos da adaptação natural pudessem ser incorporados pelos computadores [Mitchell (1996)].

Frequentemente visto como métodos de otimização, os AG podem ser aplicados num grupo de problemas que cresce a cada dia [Whitley (1994)], incluindo sistemas sociais, ecologia, economia, evolução do aprendizado e várias outras áreas do conhecimento [Mitchell (1996)].

Conforme a definição de Koza [Koza (1990)], um AG é um algoritmo matemático altamente paralelo que transforma populações de objetos matemáticos individuais em novas populações utilizando operações genéticas, como a reprodução sexual (recombinação), e a reprodução proporcional a adaptabilidade, que é o princípio Darwiniano da sobrevivência do mais apto.

O conjunto de parâmetros representado por um particular cromossomo é definido como genótipo, e

contem as informações necessárias para a construção de um organismo, definido como fenótipo. A adaptabilidade ou *fitness* do indivíduo como solução do problema, depende da ação do fenótipo que pode ser deduzido através do genótipo, isto é, ele pode ser calculado com base no cromossomo utilizando uma função de adaptabilidade ou função de *fitness* [Beasley et al (1993)].

A implementação de um AG inicia com a criação de uma população inicial de cromossomos, cada indivíduo desta população é avaliado segundo sua adaptabilidade, que permitirá definir a probabilidade que cada indivíduo tem de gerar descendentes. Os operadores de seleção, recombinação e mutação são aplicados sobre a população de modo a gerar uma nova, que será a população inicial na próxima iteração. O processo é repetido até que soluções satisfatórias ou um número máximo de gerações sejam alcançados [Koza (1992)].

A operação de seleção consiste na escolha de dois cromossomos da população, chamados de pais, que serão submetidos a operação de recombinação, gerando os descendentes. O método normalmente utilizado é o da Roleta, que consiste na entrega de um setor de uma roleta para cada cromossomo proporcional a sua adaptabilidade, de forma que os mais aptos tenham mais chances de serem selecionados como pais [Coello (1995)].

A operação de recombinação, também conhecida como *crossover*, consiste na troca de partes do genótipo de dois pais para gerar dois novos descendentes. O método usual é a utilização de um único ponto de corte escolhido aleatoriamente, que divide o cromossomo em duas partes. Caso a operação não ocorra, os descendentes serão cópias exatas dos pais [Mitchell (1996)].

A operação de mutação altera aleatoriamente os valores de alguns genes do cromossomo. A probabilidade de acontecer a operação normalmente é muito pequena, por volta de 1% para cada gene [Whitley (1994)].

#### 3 Jogo Hawk-Dove

Proposto originalmente por Maynard Smith e Price, o Jogo *Hawk-Dove* modela disputas entre pares de animais, que estão lutando por um recurso de valor **V**. A interpretação dada ao valor é que o indivíduo que ganhar o recurso terá sua adaptabilidade Darwiniana aumentada em **V**, e o perdedor não sofrerá qualquer alteração em sua adaptabilidade [Smith (1993)].

O Jogo *Hawk-Dove* considera que cada competidor deve assumir uma das duas estratégias disponíveis,

sendo que cada estratégia possui um comportamento em particular. As estratégias são:

- Hawk: caracterizado pelo comportamento agressivo, luta pelo recurso até se ferir ou até que seu oponente fuja, sendo o agente não cooperativo;
- Dove: caracterizado pela docilidade, não entra em contato físico com outros competidores, preferindo medir forças através da exibição. Quando encontra um Hawk numa disputa, foge imediatamente sem se ferir. É o agente cooperativo.

	Hawk	Dove
Hawk	½(V − C)	V
Dove	0	V/2

Tabela 1: Payoffs do Jogo Hawk-Dove

A Tabela 1 exibe os valores pagos ao jogador adotando as estratégias das linhas, se o seu oponente adotar as estratégias das colunas, ou seja, os pagamentos são referentes apenas para o jogador da linha.

Com base na Tabela 1 os seguintes resultados podem ocorrer [Smith (1993)]:

- Hawk vs. Hawk: cada competidor possui uma probabilidade de 50% de obter o recurso e uma probabilidade de 50% de sair ferido da disputa. O parâmetro C é o valor reduzido da adaptabilidade devido ao ferimento;
- Hawk vs. Dove: o competidor adotando a estratégia Hawk ganha o recurso e o competidor adotando a estratégia Dove foge sem se ferir, de modo que a sua adaptabilidade não sofra alteração em razão da disputa;
- *Dove* vs. *Dove*: o recurso é compartilhado igualmente pelos dois participantes;
- *Dove* vs. *Hawk*: o mesmo resultado que ocorre na situação *Hawk* vs. *Dove*.

#### 4 Método de Seleção Hawk-Dove Roulette

O presente trabalho propõe um novo método para a operação de seleção utilizada em Algoritmos Genéticos, considerando não apenas o nível genotípico, mas também o nível fenotípico dos cromossomos.

Este objetivo é alcançado através do emprego dos conceitos da Teoria dos Jogos, de modo que os

genótipos sejam selecionados como reprodutores não apenas pelo desempenho dos seus genótipos, mas também pelo desempenho de seus fenótipos em disputas com outros cromossomos.

O Jogo *Hawk-Dove*, descrito na seção anterior, é o paradigma escolhido para os cromossomos tentarem aumentar suas probabilidades de reprodução. Ele é um jogo de dois participantes, no qual cada competidor deve assumir na disputa um dos dois comportamentos disponibilizados: *Hawk* ou *Dove*.

Conforme o comportamento de cada participante, os seguintes resultados ocorrerão:

- *Hawk* vs. *Hawk*: cada indivíduo tem sua adaptabilidade aumenta em  $\frac{1}{2}(V C)$ ;
- Hawk vs. Dove: o indivíduo adotando o comportamento Hawk tem sua adaptabilidade aumenta em V, e o indivíduo adotando a estratégia Dove não sofrerá mudança em sua adaptabilidade;
- Dove vs. Dove: cada indivíduo tem sua adaptabilidade aumenta em V/2.

A melhora na adaptabilidade de um competidor está diretamente relacionada com o comportamento adotado pelo adversário e pelo seu próprio comportamento. O indivíduo que adotar a melhor estratégia na escolha do comportamento a ser utilizado em cada disputa, melhorará significativamente sua adaptabilidade.

A única informação disponibilizada para os cromossomos antes da realização de uma disputa é a identidade do seu adversário.

A estratégia utilizada pelo adversário pode ser deduzida indiretamente, analisando os comportamentos adotados nas jogadas anteriores, caso seja necessário. A adaptabilidade real do adversário não é fornecida e nem pode ser deduzida.

Para auxiliar os cromossomos na difícil tarefa de escolher qual o comportamento a ser adotado frente a um adversário, algumas estratégias foram disponibilizadas.

A estratégia TIT FOR TAT é proposta pelo professor Anatol Rapoport, sendo composta por duas regras [Casti (1995)]:

- 1. Coopere no primeiro encontro;
- 2. Desde então, faça o que o seu adversário fez na jogada anterior.

A estratégia TIT FOR TAT é uma estratégia que possui uma boa combinação entre gentileza, retaliação, perdão e clareza. A gentileza a previne de problemas

desnecessários. A retaliação desencoraja o outro lado a explorá-la. O perdão ajuda ao retorno da mútua colaboração e a clareza facilita que a mesma seja reconhecida pelo adversário [Axelrod (1990)].

As estratégias disponibilizadas para os cromossomos utilizarem durante as disputas são:

- Aleatória: o cromossomo escolhe aleatoriamente, com iguais probabilidades, entre o comportamento Hawk ou Dove;
- Dove: o cromossomo sempre utiliza o comportamento Dove;
- Hawk: o cromossomo sempre utiliza o comportamento Hawk;
- TFT: o cromossomo utiliza a estratégia TIT FOR TAT, adotando no primeiro encontro o comportamento *Dove*, e depois adotando o comportamento utilizado pelo seu adversário no encontro anterior.
- 1. Carregar população inicial;
- 2. Avaliar a população inicial;
- 3. Repetir até **g** gerações:
- 3.1. Repetir até **d** disputas:
  - 3.1.1. Selecionar dois competidores;
- 3.1.2. Obter o comportamento dos competidores;
- 3.1.3. Alterar a adaptabilidade dos competidores conforme o comportamento adotado por cada um:
- 3.2. Montar a Roleta;
- 3.3. Repetir até número de descendentes = tamanho da população:
- 3.3.1. Selecionar dois pais utilizando a Roleta;
- 3.3.2. Aplicar a operação de Recombinação sobre os pais selecionados no passo anterior;
- 3.3.3. Aplicar a operação de mutação sobre os descendentes gerados no passo anterior;
- 3.4. Substituir a população antiga pela nova;
- 3.5. Avaliar a nova população.

**Figura 1:** Pseudocódigo do algoritmo com o método HDR

No método *Hawk-Dove Roulette* (HDR), o Jogo *Hawk-Dove* (Figura 1 – passo 3.1.) é realizado antes que os setores da roleta sejam distribuídos aos cromossomos

(Figura 1 – passo 3.2.), de modo que as alterações sofridas pelos cromossomos durante as disputas estejam refletidas na roleta.

A adaptabilidade utilizada pela Roleta para distribuir os setores não representa mais exclusivamente o desempenho do genótipo, estando influenciado pelo desempenho do fenótipo de cada cromossomo.

O jogo consiste na escolha aleatória, com igual probabilidade, de dois cromossomos da população, para realizarem uma disputa. Cada competidor deverá adotar um comportamento a fim de melhorar sua adaptabilidade.

## 5 Resultados Alcançados

O método proposto é comparado com o método da Roleta Tradicional, utilizando como plataforma de teste o Problema do Caixeiro Viajante, com um instância de 26 cidades com distâncias simétricas, representando as capitais dos estados brasileiros [DNER (2000)].

O Problema do Caixeiro Viajante (PCV), também conhecido como *Traveling Salesman Problem*, é um problema clássico da otimização combinatória, tendo despertado grande interesse nos pesquisadores da área. É um problema simples de descrever mas difícil de resolver, possuindo inúmeras aplicações práticas. O PCV pertence a classe de problemas NP-difíceis, no qual o tempo gasto para resolvê-lo cresce exponencialmente ao tamanho da instância [Bureal, 2000].

O número total de soluções candidatas (rotas) para um PCV simétrico é (n-1)! / 2 [West, 1996]. Utilizando uma instância de 26 cidades (n = 26), tem-se 7,75 x  $10^{24}$  possibilidades. Considerando a existência de uma máquina que consiga avaliar 1.000.000.000 possibilidades por segundo, o que totalizaria 3,15 x  $10^{16}$  possibilidades avaliadas por ano. Esta máquina conseguiria avaliar todas as possibilidades, encontrando a solução ótima para esta coleção de cidades, em 2,46 x  $10^8$  anos.

A base de dados é criada armazenando a menor distância encontrada e a geração em que a menor distância apareceu pela primeira vez, para cada execução de um AG empregando qualquer um dos métodos.

Com estas duas variáveis é possível medir o desempenho do método (variável geração) e a qualidade das repostas fornecidas (variável distância).

Normalmente a população inicial de um AG é criada aleatoriamente, mas a fim de controlar este fator a população inicial utilizada pelos ensaios é fixa (Figura  $1-passo\ 1.$ ).

Há muitos fatores que influenciam nas repostas encontrada pelo método, sendo alguns oriundos do

algoritmo genético e outros do Jogo Hawk-Dove. Os fatores cujos níveis permanecerão constantes durante os ensaios são:

- Tamanho da população: especifica o número máximo de indivíduos em cada geração, fixado em 200:
- Número de gerações: especifica o número máximo de evoluções que o algoritmo poderá atingir, fixado em 10.000;
- Número de disputas: determina o número máximo de disputas realizadas pelos cromossomos durante o Jogo *Hawk-Dove*, sendo utilizado apenas no método HDR, fixado em 5.000.

Os fatores cujos níveis serão alterados durante a realização do experimento são:

- Taxa de recombinação: especifica a probabilidade de ocorrer a operação de recombinação sobre dois cromossomos. São utilizados os valores 0.5, 0.6, 0.7 ou 0.8;
- Taxa de mutação: especifica a probabilidade de ocorrer a operação de mutação sobre cada gene.
   São utilizados os valores 0.01, 0.005 ou 0.001;
- Valor do recurso e preço por se ferir [V, C]: especificam os valores da tabela do Jogo *Hawk-Dove*. São utilizados os valores [10, 20], [20, 10], [50, 25] ou [25,.50].

Para identificar a estratégia que auxilia o método HDR a produzir os melhores resultados, são formados grupos conforme as estratégias utilizadas pelos cromossomos, sendo elas:

- Aleatório: os cromossomos utilizam a estratégia Aleatória;
- TFT25: os 25% melhores cromossomos da população utilizam a estratégia TIT FOR TAT, e os demais a estratégia Aleatória;
- TFT50: igual a TFT25, mas com 50% da população utilizando a estratégia TIT FOR TAT;
- TFT75: igual a TFT25, mas com 75% da população utilizando a estratégia TIT FOR TAT;
- Dove: os cromossomos utilizam a estratégia Dove;
- Hawk: os cromossomos utilizam a estratégia Hawk;

• Misto: todas as estratégias estão disponíveis, sendo que inicialmente cada estratégia (Aleatória, *Dove*, *Hawk* e TFT) possuem 25% da população, distribuídos aleatoriamente sobre a população. Na operação de recombinação, o cromossomo com o melhor desempenho, ou seja, aquele que teve o maior aumento em sua adaptabilidade, passará sua estratégia para os seus descendentes. No caso de ambos os pais terem o mesmo desempenho, ambos passarão suas estratégias para os descendentes.

Para cada grupo de estratégias existem 48 tratamentos a serem ensaiados, que são as combinações específicas dos diferentes níveis dos fatores analisados.

De modo a minimizar os efeitos aleatórios, para cada tratamento são realizados 100 ensaios, formando uma base de dados com 4.800 amostras para cada método analisado. Para a analise em questão foram gerados 38.400 amostras.

Método	Média	Desvio Padrão
Tradicional	5.523,95	2.857,901
HDR Aleatório	5.330,62	2.909,556
HDR Hawk	5.404,71	2.889,578
HDR Dove	5.440,28	2.916,775
HDR TFT25	5.283,19	2.937,682
HDR TFT50	5.312,15	2.900,859
HDR TFT75	5.387,74	2.885,216
HDR Misto	5.372,40	2.902,922

Tabela 2: Valores descritivos da variável Geração

A Tabela 2 exibe o desempenho dos métodos através do número de gerações necessárias para alcançar a menor distância. Conforme se pode observar, o método HDR é aproximadamente 5% mais rápido que o método Tradicional, encontrando a melhor resposta com um número menor de gerações, em média.

Método	Média	Desvio Padrão
Tradicional	24.607,10	2.407,838
HDR Aleatório	24.268,59	2.324,559
HDR Hawk	24.328,30	2.276,145
HDR Dove	24.375,95	2.320,724
HDR TFT25	24.220,27	2.276,465

HDR TFT50	24.217,69	2.272,653
HDR TFT75	24.216,33	2.264,144
HDR Misto	24.275,28	2.296,201

Tabela 3: Valores descritivos da variável Distância

A Tabela 3 exibe a qualidade das respostas fornecidas pelos métodos através das menores distâncias encontradas, em quilômetros, indicando que não existe uma diferença substancial entre o método proposto e o método da Roleta Tradicional.

Os resultados fornecidos pelo Método HDR são aproximadamente 2% melhores que os resultados obtidos pelo método da Roleta Tradicional.

Os conjuntos que obtiveram as menores médias para a variável Distância foram aquelas que utilizavam a estratégia TIT FOR TAT, sendo que conforme a porcentagem de indivíduos adotando tal estratégia aumenta, a qualidade da resposta fornecida pelo método também sofre um aumento.

Se todos os indivíduos adotassem a estratégia TIT FOR TAT, poderia se esperar que o resultado encontrado seria melhor que o encontrado pelo TFT75, mas essa conclusão é errônea.

A estratégia TIT FOR TAT especifica que no primeiro encontro o participante deve colaborar, ou seja, adotar o comportamento *Dove*. Se todos os cromossomos adotam tal estratégia, o resultado é o mesmo encontrado pela estratégia *Dove*, cujo desempenho é mais fraco que a da estratégia TFT75.

Todos os grupos encontraram o mesmo valor mínimo para a variável Distância, sendo de 24.409 Km. Esse ponto provavelmente é um ponto de mínimo local na superfície de resposta, não sendo possível comprovar se tal ponto é o mínimo global. A Figura 2 exibe a melhor rota encontrada.

De forma geral, o método HDR obteve o melhor desempenho, encontrando, em média, os melhores resultados no mesmo intervalo de tempo que o método Tradicional.

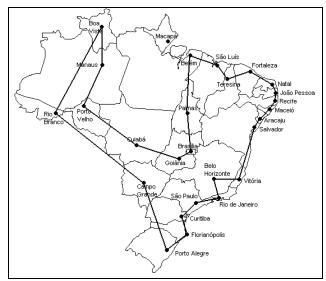


Figura 2: Melhor rota encontrada

#### 6 Conclusão

Diversos autores já propuseram utilizar Algoritmos Genéticos como mecanismo para desenvolver novas estratégias para competidores envolvidos em determinados jogos, auxiliando as pesquisas em Teoria dos Jogos.

Utilizar a Teoria dos Jogos como um mecanismo para melhorar o desempenho dos Algoritmos Genéticos ainda é uma novidade, sendo um vasto a campo a ser pesquisado.

A inserção de uma competição entre os indivíduos nos Algoritmos Genéticos guiada não somente por fatores aleatórios pode tornar a busca dos indivíduos pelo aumento de suas aptidões mais eficiente e provida de uma certa "racionalidade".

Essa adaptabilidade tem características dinâmicas, variando conforme o resultado das disputas no qual o indivíduo se engaja. É uma forma de fazer com que os Algoritmos Genéticos trabalhem também com os fenótipos dos cromossomos, em vez de trabalharem apenas no nível genotípico.

O desempenho dos indivíduos nas disputas está diretamente relacionado com a estratégia adotada pelos mesmos na escolha dos movimentos. O emprego de estratégias racionais pode fornecer uma eficiência adicional aos Algoritmos Genéticos na busca de soluções satisfatórias para problemas difíceis

#### 7 Referências

- Axelrod, Robert. *The Evolution of Cooperation*. London: Penguin Books, 1990.
- Beasley, David; Bull, David R.; Martin, Ralph R.: "An Overview of Genetic Algorithms: Part 1, Fundamentals." In *University Computing* 15(2), 58-69, 1993.
- Buriol, Luciana S.. Algoritmo Memético para o Problema do Caixeiro Viajante Assimétrico como Parte de um Framework para Algoritmos Evolutivos. Dissertação de Mestrado, Universidade Estadual de Campinas, Departamento de Engenharia de Sistemas, Faculdade de Engenharia Elétrica e de Computação, UNICAMP, Campinas, São Paulo, 2000.
- Casti, John L.. "Cooperation: The Ghost in the Machinery of Evolution." In John L. Casto and Anders Karlqvist (eds.), Cooperation and Conflict in General Evolutionary Processess, 63-88, John Wiley & Sons, Inc, 1995.
- Coello, Carlos A. Coello. "Introducción a los Algoritmos Genéticos. " In *Soluciones Avanzadas. Tecnologias de Información y Estrategias de Negocios* 3(17), 5 11, 1995.
- DNER. Departamento Nacional de Estradas de Rodagem. http://www.dner.gov.br (07/02/2000).
- Goldberg, David E.. Genetic Algorithms in Search, Optimization and Machine Learning. Addison-Wesley Publishing Company, Inc, 1989.
- Hiellier, Frederick S.. *Introdução à Pesquisa Operacional*. São Paulo: Editora da Universidade de São Paulo, 3ª Ed., 269-316. Tradução: Helena L. Lemos. Rio de Janeiro: Editora Campus, 1998.
- Holland, John H.. *Adaptation in Natural and Artificial Systems*. University of Michigan Press, 1975.
- Koza, John R.. "Genetically breeding populations of computer programs to solve problems in artificial intelligence." In *Proceedings of ICANNGA'95 Int'l Conference on Artificial NNs and GAs*, France: Ecole des Mines d'Ales, 1990.
- Koza, John R.. Genetic Programming On the programming of Computers by Means of Natural Selection. A Broad Book. 1992.
- Mitchell, Melanie. *An Introduction to Genetic Algorithms*. Cambridge: MIT Press, 1996.

- Mitchell, Melanie; Taylor, Charles E.. "Evolutionary Computation: An Overview." In *Annual Review of Ecology and Systematics*, 20, 593-616, 1999.
- Smith, John Maynard. Evolution and the Theory of Games. Cambridge: Cambridge University Press, 1993.
- Weibul, Jörgen W.. *Evolutionary Game Theory*, 1-10, Cambridge: MIT Press, 1996.
- West, Douglas Brent. *Introduction to Graph Theory*. Upper Saddle River: Prentice Hall, Inc. 1996.
- Whitley, Darrell. "A Genetic Algorithm Tutorial." In *Statistics and Computing*, 4, 65-85, 1994.